

Data: 13/02/2020

Nr: 174563/10

### Wynik badania DNA

**Nazwa i przydomek hodowlany:** STYLESTAFF HAMER AT SAMA SŁODYCZ

**Gatunek:** pies

**Umaszczenie:** czarne

**Rasa:** Staffordshire Bull Terrier

**Metryka:**

**Data urodzenia:** 13.03.2018

**Nr chip:** 981098104845015

**Płeć:** samiec

**Tatuaż:**

**Ojciec:** KIMI COLD DE TESTAFERRO

**Nr rodowodu:** PKR.III-85452

**Matka:** EL DORASTAFF MISS SINISTER

**Właściciel:** Marzena Wojciechowska

**Rodzaj badania:** Acyduria L-2-hydroksyglutarowa [L-2-HGA]

Marker	Allele	Genotyp
<i>L2HGDH</i> c.1297 T>C (Leu433Pro, L433P) i c.1299 C>T (His434Tyr, H434Y) ekson 10	N/N	CLEAR

N – allel prawidłowy (normalny), Mut – allel nieprawidłowy (zmutowany)

**Wyjaśnienie:** Genotyp N/N (homozygota dominująca) – zwierzę nie jest nosicielem mutacji (osobnik zdrowy – „Czysty” – „Prawidłowy”). W wyniku przeprowadzonego testu DNA, opierającego się na sekwencjonowaniu, regionu c.1297 T>C (Leu433Pro, L433P) i c.1299 C>T (His434Tyr, H434Y) eksonu 10 genu *L2HGDH*, w którym znajduje się potencjalne miejsce mutacji (2 x SNP) – c.1297 T>C (Leu433Pro, L433P) i c.1299 C>T (His434Tyr, H434Y), nie stwierdzono obecności mutacji (2 x SNP) w żadnym z dwóch alleli genu *L2HGDH*.